



SYNTENYVIEWER

Outil de recherche translationnelle entre espèces pour l'amélioration variétale

© pxhere

SYNTENYVIEWER

OBJECTIF

Un gène connu chez une espèce peut être exploité chez les espèces pour lesquelles ce gène est conservé

CONTEXTE

SyntenyViewer est un outil de recherche translationnelle permettant le transfert des connaissances fondamentales en génomique et génétique des plantes modèles vers le domaine appliqué de l'amélioration des espèces d'intérêt agronomique.

PERSPECTIVES DE VALORISATION POUR LES PARTENAIRES

L'amélioration du transfert efficace des résultats de recherche obtenus chez une espèce à l'ensemble des espèces pour lesquelles ces résultats sont d'intérêt en agriculture, permettra in fine, l'identification des meilleurs allèles et génotypes associés pour leur exploitation dans les programmes actuels de sélection variétale. Cet objectif sera atteint grâce à l'utilisation de la génomique comparée pour identifier efficacement les gènes contrôlant des fonctions communes entre espèces, mais aussi avec des outils d'édition génomique, de criblage de diversité génétique et de phénotypage. C'est actuellement un jeu de 1500 gènes d'intérêt qui a été recensé et identifié chez des espèces d'intérêt agronomique pour lesquelles la validation fonctionnelle est en cours.

CONTACT PARTENARIAL

plant2pro@instituts-carnots.fr

CONTACTS
SCIENTIFIQUES

Jerome SALSE
UMR GDEC - INRAE
jerome.salse@inrae.fr

