

PLMViewer

OBJECTIF

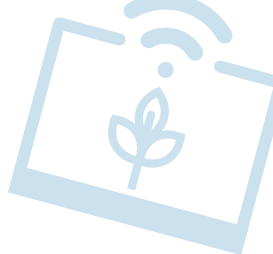
Cartographie des séquences *cis*-régulatrices dans les régions proximales des gènes

CONTEXTE

La régulation de l'expression des gènes utilise de courtes séquences d'ADN présentes en fortes densité dans les régions proximales des gènes. Des approches *in silico* sont développées pour détecter ces courtes séquences d'ADN. Elles sont complémentaires du ChIP-seq et du DAP-seq.

PERSPECTIVES DE VALORISATION POUR LES PARTENAIRES

Ce projet vise à optimiser la méthode PLMdetect qui avait été conçue pour identifier des motifs sur-représentés dans les promoteurs à une distance préférentielle du site d'initiation de la transcription chez *Arabidopsis thaliana*. La nouvelle version permettra d'étudier les régions 5' et 3' proximales des gènes de 20 espèces de plante et sera disponible à travers un outil web. Une analyse inter- et intra-espèces permettra de mieux comprendre l'organisation génomique des motifs *cis*-régulateurs.



CONTACT PARTENARIAL

CONTACTS
SCIENTIFIQUES

plant2pro@instituts-carnots.fr

Marie-Laure MARTIN
IPS2 - MIA Paris-Saclay
marie-laure.martin@inrae.fr



&



Sylvie COURSOR
IJPB
sylvie.coursol@inrae.fr