



# CATCHMI

Capture de régions génomiques d'intérêt

# CATCHMI

## OBJECTIF

Disposer d'une méthode pour isoler la région du génome gouvernant un caractère agronomique d'intérêt

## CONTEXTE

Pour améliorer la production végétale, il est essentiel d'identifier les gènes déterminants pour la résilience des cultures. Mais, les génomes de plantes étant très complexes, relier un phénotype à la région génomique qui le gouverne prend du temps. Il faut développer les outils pour aller plus vite.

## PERSPECTIVES DE VALORISATION POUR LES PARTENAIRES

La méthode PullCATCH, ainsi que l'ensemble des stratégies d'études ciblées des génomes de plantes proposées par le CNRGV, offrent aux acteurs de l'amélioration végétale de nouvelles options pour identifier les régions génomiques d'intérêts. Lorsqu'une région est caractérisée au sein d'une variété, ces mêmes outils permettent d'analyser la variabilité génétique de la diversité de l'espèce. Les informations obtenues sont déterminantes pour mieux exploiter cette diversité, faciliter l'innovation variétale et explorer des traits originaux.

CONTACT PARTENARIAL

[plant2pro@instituts-carnots.fr](mailto:plant2pro@instituts-carnots.fr)

CONTACT  
SCIENTIFIQUE

Arnaud BELLEC  
INRAE  
[arnaud.bellec@inrae.fr](mailto:arnaud.bellec@inrae.fr)

